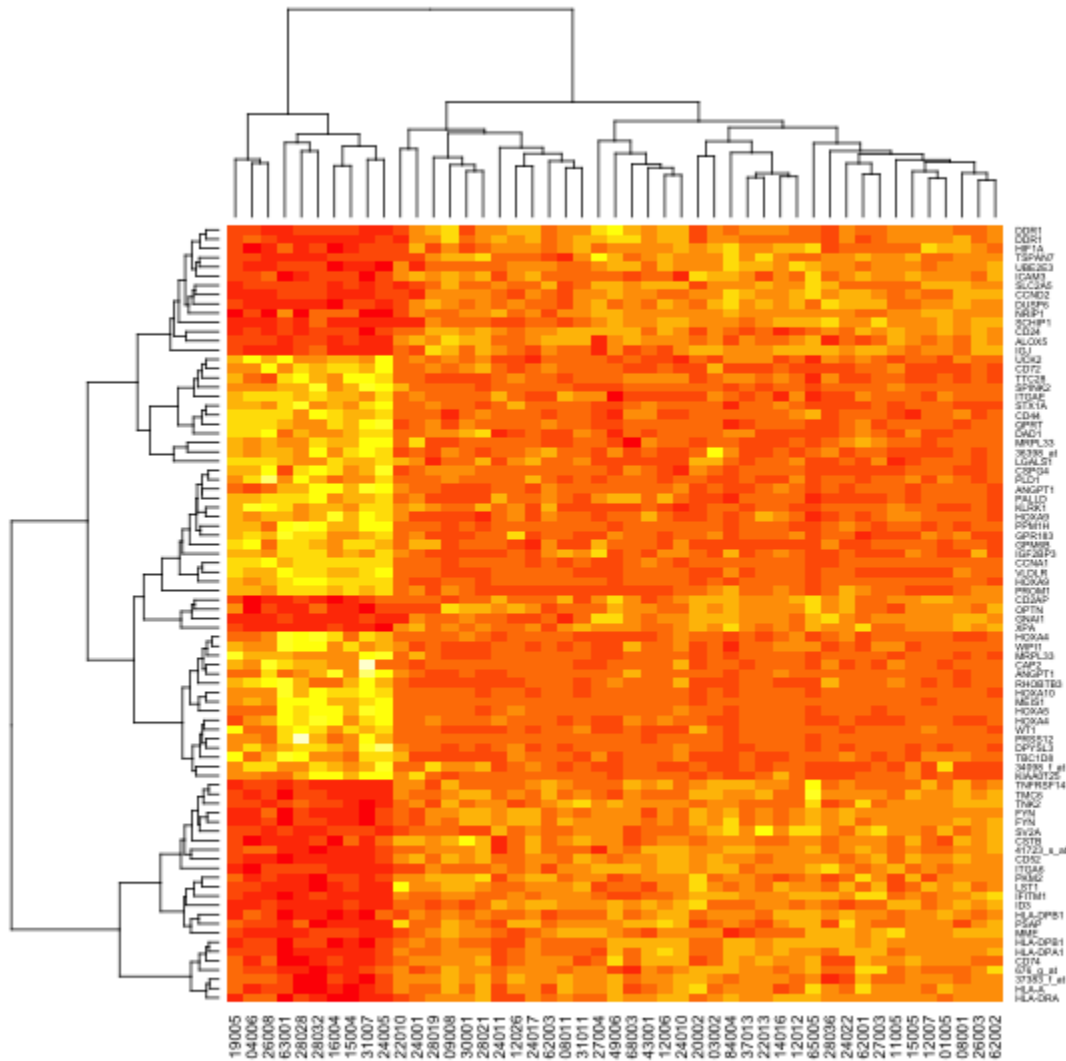


热图 (HeatMap)

热图可以简单地聚合大量数据，并使用一种渐进的色带来优雅地表现出来，可以很直观地展现空间数据的相对大小。在生物医学研究中，常用来展现基因表达数据。如下例：



这个图有三个部分，样品分枝树图和基因分枝树图，以及热图本身。对样品进行聚类分析可以把相似表达图谱的样本排到一起。同样对基因进行聚类分析排序，可以帮助判断哪些基因在这个样本中表达相似。

例 1：将数据 heatmap.xls 用热图展现出来。

[点击下载 heatmap.xls](#) 保存到一个子目录中，如 \My documents\heatmap\heatmap.xls

原始数据如下表格式，保存成制表符分隔的文本文件。

Name	G	MIN	PF
Dwyane Wade	79	38.6	2.3
LeBron James	81	37.7	1.7
.....
Nate Robinson	74	29.9	2.8

打开易侬统计-》工具-》作图工具-》热图（heatmap），输入界面如下：

Heat Map 热图

图形标题：

输出文件：

输出路径：
(默认：我的文档)

热图设计： 显示颜色标识图 绘制变量的相关系数矩阵 图宽度： 图高度：

聚类图： 行和列聚类图 行聚类图 列聚类图 无

标准化： 按行标化 按列标化 不标化

输入数据：数据文件名：
格式要求：(1)制表符分隔的文本文件；(2)第一行为变量（列）注解，第二行开始为数据；(3)第一列为行注解（记录名，如基因名称），其它所有列均为数据值
或复制、粘贴数据到下框内（制表符分隔）：

点击“开始作图”，输出热图如图 1，绘制的是变量的相关系数矩阵。

如不选“绘制变量的相关系数矩阵”，得图 2：

图 1: 变量的相关系数矩阵

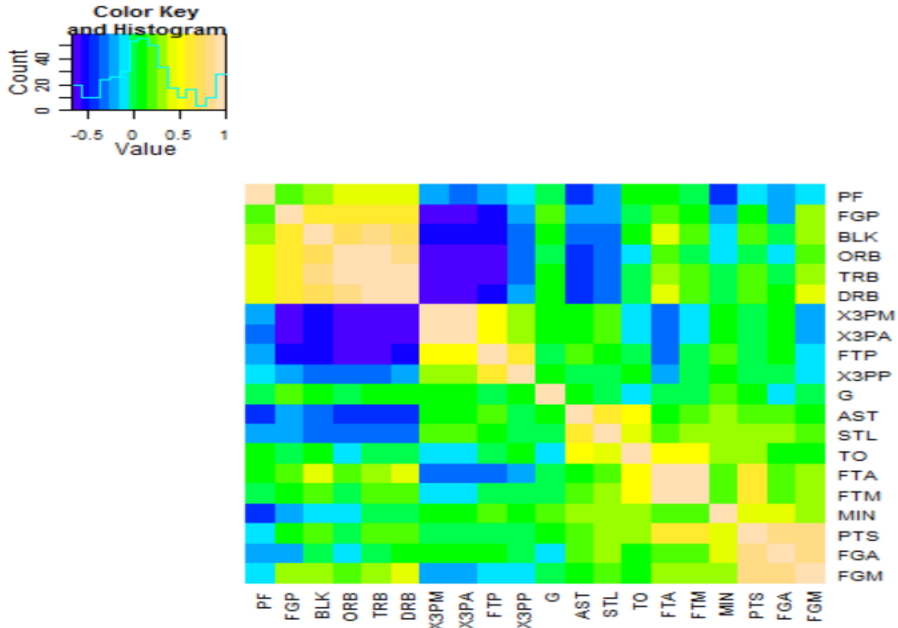


图 2. 热图

